

INTRODUCCION A LA CLADISTICA Y USO DE TNT ("TREE ANALYSIS USING NEW TECHNOLOGY")

Museo Paleontológico Egidio Feruglio. Trelew. 22 al 26 de Abril de 2006.

DIA 1

Dr. D. Pol y Dr. M. Ramírez

Mañana

Parsimonia y sistemática filogenética. Optimización y mapeo de caracteres (mapeo/reconstrucciones/cambios específicos).

Tarde

Input/output. Formatos de datasets. Archivos de instrucciones. Opciones de output como metafiles; Creación de "batch files". Edición de árboles. Manejo de archivos de árboles. Grupos de árboles, caracteres, y taxones.

DIA 2

Dr. D. Pol

Mañana

Búsquedas, parte I. Soluciones exactas, árboles de Wagner, branch-swapping.

Tarde

Secuencias múltiples de adición al azar. Constraints y "timeouts". Estrategias de búsquedas heurísticas.

DIA 3

Dr. M. Ramírez

Mañana

Reglas de colapsamiento. Consenso (incluyendo: mejoras de consensos y superárboles). Comparación de árboles. Distancias de SPR.

Tarde

Pesado de caracteres. Funciones de pesado definidas por el usuario.

DIA 4

Dr. P. Goloboff

Mañana

Medidas de soporte. Soporte de Bremer. Búsqueda de árboles subóptimos. Medidas basadas en remuestreo.

Tarde

Efectos de tipos de búsquedas y reglas de colapsamientos.

DIA 5

Dr. P. Goloboff

Mañana

Búsquedas, parte II: Nuevos algoritmos de búsqueda. Análisis de datasets de gran tamaño.

Tarde

Búsquedas y scripts. Control de flujo, expresiones y variables.